

社会的評価

基盤データ

GNP発の世界に誇る基盤データ

■ 広範な用途をもつ多種類の組織・細胞の網羅的データ

転写因子の定量的な
遺伝子発現測定

リアルタイムPCR

ヒト 41組織、27細胞株
マウス 31組織、4細胞株

世界最高精度の
転写マップ

CAGE

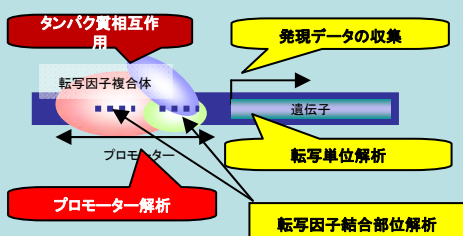
ヒト 90組織、68細胞株
マウス 2組織、8細胞株

網羅的
転写因子相互作用マップ

PPI

7,011 組の相互作用

大規模なオリジナルデータを持つことが我が国の研究基盤を強固にする。



ゲノムネットワークプラットフォームより公開
<http://genomenetwork.nig.ac.jp/>

リソース

ヒトcDNA
コレクション

ヒトの全遺伝子の9割に相当する28,000遺伝子、370,000クローン。

Gateway®
エントリークローン

ヒト完全長cDNAコレクションから抜粋した8,700遺伝子。Gateway®テクノロジーにより、遺伝子を種々の発現ベクターへ簡単に移入することができ、幅広い遺伝子研究に活用できる。

siRNA

1万8千を超えるヒト遺伝子に対するshRNAライブラリー

■ リンパ球の分化過程で系統的に収集したデータ

プロモーターレベルの
遺伝子発現情報

CAGE
14点

タンパクコード遺伝子の
発現情報

マイクロアレイ
遺伝子発現
10点

マイクロアレイ
miRNA 534種の発現情
報

マイクロアレイ
54遺伝子をノックダウンし
た場合の発現情報

定量的な
遺伝子発現情報

リアルタイムPCR
2,315 転写因子遺伝子の
発現

短鎖RNA発現

合計13,973,634シーケン
ス

転写因子相互作用

PPI

クロマチンレベルの発
現制御

ChIP-cip

ゲノムネットワークプラットフォーム

