

参考資料 11 続き 資料 6-2

ゲノムネットワークプロジェクト実施計画(平成20年度)

ゲノム機能情報の解析

ゲノム機能情報の集中的解析	林崎 良英	1
ヒト全遺伝子レトロウイルス型 siRNA ライブラリの構築	秋山 徹	3
酵母ツーハイブリッド法 (Y2H) による転写因子ネットワーク解析	大友 純	5
<i>In vitro</i> virus 法による転写因子複合体の大規模解析	柳川 弘志	7
ゲノムタイリングアレイを用いたヒト転写レギュロームの解明	白髭 克彦	9
抗体を用いた転写因子複合体解析によるゲノムネットワークの理解	古閑比佐志	11

ヒトゲノムネットワークプラットフォームの構築

ヒトゲノムネットワーク情報システムの構築	五條堀 孝	13
タンパク質相互作用の変化を推定するアルゴリズムの開発	郷 通子	15
生命科学文献からの情報抽出とテキストマイニング技術の開発	宮尾 祐介	17
垂直統合型細胞内分子相互作用ネットワーク分析情報基盤の開発	北野 宏明	19

次世代ゲノム解析技術の開発

新技術を基盤とした革新的遺伝子解析システムの開発	関根 光雄	21
ショットガン戦略による高分解能メチル化ボディマッピング	伊藤 隆司	23
精子幹細胞の遺伝子改変によるがん疾患モデルラットの作成	篠原 隆司	25
転写因子に対する抗体の遺伝子免疫による迅速作製システムの開発	千葉 丈	27

個別生命機能の解析

生命を形づくる遺伝子発現機構の網羅的解析	浅原 弘嗣	29
生体においてステロイドホルモンが担うゲノムネットワークの解明	井上 聡	31
自己—非自己識別に関わる免疫系遺伝子制御ネットワークの解明	井上純一郎	33
脳の時間的・空間的発現制御機構のシステム生物学	上田 泰己	35
睡眠覚醒調節に関する遺伝子発現調節ネットワークの解明	裏出 良博	37
ヒトゲノムのクロマチン転写ユニットの網羅的解析とその応用	太田 力	39
脂肪・骨芽細胞分化ネットワークのクロストークと冗長性の解明	岡崎 康司	41
2時間を刻む生物時計に関わる遺伝子群の網羅的解析	影山龍一郎	43
エピジェネティックネットワークを介した幹細胞維持の分子機序	古関 明彦	45
哺乳類生殖細胞の性分化に関わるゲノムネットワークの解析	相賀裕美子	47
ノンコーディング RNA によるゲノム情報発現制御機構の解析	塩見 春彦	49
免疫疾患に関与する転写因子群ネットワークの解明	白澤 専二	51
SET ドメイン分子によるゲノムネットワーク構築と生命機能制御	眞貝 洋一	53
個別生命機能における転写因子の機能ネットワークと疾患	高橋 智	55
運動器の形成・維持・老化に関わる遺伝子制御ネットワークの解明	高柳 広	57
免疫系細胞高次機能を司る DOCK 2 シグナルネットワークの解明	福井 宣規	61
細胞死シグナル分子と増殖・分化シグナル間ネットワーク機構解明	米原 伸	63
蛋白の可視化と機能的複合体解析で解くゲノム安定性ネットワーク	安井 明	66

動的ネットワーク解析技術開発

乳がん細胞の薬剤抵抗性に関するネットワークの動態解析	北野 宏明	68
脂肪細胞・骨芽細胞分化ネットワークの再構成と特性解析	松田 秀雄	71
動的ネットワーク抽出のためのイン・シリコパイプラインの構築	宮野 悟	73